



SEQUENCE LISTING

<110> Zeros, Antonis S.

<120> IN VIVO CONSTRUCTION OF DNA LIBRARIES

<130> 10287/039001

<140> US 09/245,549

<141> 1999-02-05

<150> US 60/073,817

<151> 1998-02-05

<160> 13

<170> FastSEQ for Windows Version 3.0

<210> 1

<211> 24

<212> DNA

<213> Unknown

<220>

<223> primer_bind

<400> 1

gagatgcctc ctacccttat gatg

24

<210> 2

<211> 24

<212> DNA

<213> Unknown

<220>

<223> primer_bind

<400> 2

gattggacac ttgaccaaac ctct

24

<210> 3

<211> 24

<212> DNA

<213> Unknown

<220>

<223> primer_bind

<400> 3

ctacccttat gatgtgccag atta

24

<210> 4

<211> 24

<212> DNA

<213> Unknown

<220>

<223> primer_bind

<400> 4

ttgaccaaac ctctggcgaa gaag

24

<210> 5
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Unknown

 <220>
 <223> primer_bind

 <400> 5
 gatgtgccag attatgcctc tccc 24

 <210> 6
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Unknown

 <220>
 <223> primer_bind

 <400> 6
 ctctggcgaa gaagtccaaa gctt 24

 <210> 7
 <211> 17
 <212> DNA
 <213> Unknown

 <220>
 <223> primer_bind

 <400> 7
 gaagtccaaa gcttgag 17

 <210> 8
 <211> 15
 <212> DNA
 <213> Unknown

 <220>
 <223> primer_bind

 <400> 8
 attatgcctc tcccg 15

 <210> 9
 <211> 13
 <212> DNA
 <213> Unknown

 <220>
 <223> primer_bind

 <221> misc_feature
 <222> (1)...(13)
 <223> n = A,T,C or G

 <400> 9
 gaattcnnnn nnn 13

 <210> 10
 <211> 13
 <212> DNA

<213> Unknown
 <220>
 <223> primer_bind
 <221> misc_feature
 <222> (1)...(13)
 <223> n = A,T,C or G
 <400> 10
 agatctnnnn nnn 13
 <210> 11
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Unknown
 <220>
 <223> primer_bind
 <400> 11
 aattcgcggc cgcgtcgac 19
 <210> 12
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Unknown
 <220>
 <223> domain
 <221> VARIANT
 <222> (1)...(9)
 <223> Xaa = Any Amino Acid
 <400> 12
 Cys Xaa Xaa Cys Xaa Cys Xaa Xaa Cys
 1 5
 <210> 13
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Unknown
 <220>
 <223> domain
 <221> VARIANT
 <222> (1)...(9)
 <223> Xaa = Any Amino Acid
 <400> 13
 Pro Xaa Xaa Trp Xaa Trp Xaa Xaa Pro
 1 5